

ПРОГНОСТИЧНЕ ЗНАЧЕННЯ АЛЕЛЬНОГО ПОЛІМОРФІЗМУ ГЕНУ IL-4 (-590C/T) ПРИ ВІЛ-ІНФЕКЦІЇ

Піддубна А. І.

Сумський державний університет, кафедра інфекційних хвороб з епідеміологією

Актуальність теми. На сучасному етапі становлення імуногенетики інфекційної патології особливу увагу приділяється дослідженню поліморфізмів поодиноких нуклеотидів генів цитокінів.

Мета роботи. Вивчити розподіл алельних варіантів гену IL-4 (-590C/T) у ВІЛ-інфікованих пацієнтів у залежності від варіанту перебігу інфекційного процесу.

Матеріали та методи. Детекцію поліморфізму гену IL-4 (-590C/T) проводили методом ПЛР з наступним аналізом довжини рестрикційних фрагментів зі зразків ДНК, отриманих з лейкоцитів периферичної крові 78 ВІЛ-інфікованих українців.

Результати. Розглянуті асоціації носійства відповідного генотипу ВІЛ-інфікованими особами з бактеріальними, вірусними, грибковими інфекціями і паразитарними інвазіями.

При аналізі алельних варіантів поліморфного локусу гену IL-4 встановлено, що розподіл генотипів серед ВІЛ-інфікованих пацієнтів не залежав від наявності інфекційних захворювань бактеріального походження. Серед пацієнтів з клінічною картиною мікозів гетерозиготи C/T IL-4 зустрічалися у 2,3 разу частіше (34,62 %) у порівнянні з особами без вказаної патології (OR = 0,44, $p < 0,05$). При порівнянні розподілу генотипів у хворих з вірусними інфекціями встановлено, що гомозиготний за основним алелем варіант C/C IL-4, склавши 31,58 % випадків, має тенденцію до асоціації з захворюваннями вірусного генезу (OR = 0,87) ($p > 0,05$).

Висновки. Встановлена діагностична значимість генетичних альтернатив гену IL-4 при різних варіантах перебігу інфекційного процесу на тлі інфікування ВІЛ, що вказує на доцільність проведення подальших популяційних досліджень з метою поглибленого вивчення прогностичного значення генних поліморфізмів у патогенезі недуги.