ПОЛИМОРФИЗМ ГЕНА TNF-α (-308G/A) У ВИЧ-ИНФИЦИРОВАННЫХ ПАЦИЕНТОВ С КАНДИДОЗНОЙ ИНФЕКЦИЕЙ

Поддубная А. И., Чемич Н. Д.

Сумский государственный университет, г. Сумы, Украина

TNF-α (-308G/A) GENE POLIMORPHISM IN HIV-INFECTED PATIENTS WITH CANDIDIASIS

Poddubnaya A. I., Chemych N. D.

Sumy State University, Sumy, Ukraine

Целью данного исследования было изучить характер распределения аллельных вариантов промотерного участка гена TNF-α в позиции -308 у ВИЧ-инфицированных украинцев с кандидозной инфекцией.

Материалы и методы. Проведено определение полиморфизма гена TNF-α в позиции -308 методом ПЦР с последующим анализом длины рестрикционных фрагментов у 78 ВИЧ-инфицированных лиц. Пациенты были разделены на сопоставимые по полу, возрасту и уровню иммуносупрессии группы: с кандидозной инфекцией (n=54) и без ее проявлений (n=24). Контрольную группу составили 100 клинически здоровых доноров крови. Для сравнения частот аллелей между группами использовали точный тест Фишера.

Результаты. При анализе частот аллельных вариантов гена цитокина определено, что доминирующим вариантом были гомозиготы по основному аллелю (генотип G/G), который встречался у 55,6 % (30 человек) ВИЧ-инфицированных с кандидозной инфекцией, 79,2 % (19) лиц без ее проявлений и 74,0 % (74) лиц группы сравнения. Зафиксирована повышенная частота гетерозигот по основному аллелю среди пациентов с кандидозной инфекцией. Так, частота G/A генотипа в этой группе превысила соответствующие показатели группы без кандидозной инфекции и доноров крови в 2,1 и 1,8 раза соответственно ($p<0,05$), что указывает на тенденцию к ассоциации указанного варианта с инфицированием грибами рода Candida.

Среди ВИЧ-инфицированных не выявлено ни одного носителя минорного аллеля A/A, что достоверно не отличается от частот встречаемости генотипа среды здоровых лиц.

Выводы. Распределение аллельных вариантов промотерного участка гена TNF-α в позиции -308 среди ВИЧ-инфицированных украинцев характеризуется преобладанием гомозигот по основному аллелю. Выявлены различия в частоте генотипов среди лиц с ВИЧ, инфицированных грибами рода Candida, которые обусловлены повышенным содержанием гетерозиготного G/A варианта, что указывает на возможность использования данного генетического маркера как предиктора развития кандидоза при ВИЧ-инфекции.

Поддубная А. И. Полиморфизм гена TNF-α (-308G/A) у ВИЧ-инфицированных лиц с кандидозной инфекцией / А. И. Поддубная, М. Д. Чемич // Проблемы медицинской микологии. – 2013. – №2. – С. 113.